

## ABSTRAK

Penelitian ini untuk mengetahui afinitas senyawa pada terong ungu terhadap protein target antidiabetes, mengetahui pola interaksi senyawa pada terong ungu terhadap protein target antidiabetes, dan mengetahui profil ADME dari senyawa kimia pada terong ungu yang memiliki afinitas dan interaksi dengan protein target antidiabetes.

Kemudian dilakukan pengunduhan 29 ligan senyawa dari kandungan kimia terong ungu dari webserver Knapsack dan target molekuler antidiabetes antara lain  $\alpha$ -glukosidase (3W37), DPP4 (6B1E), PPARG (2PRG), dan aldose reductase (2HV5) pada web RCSB PDB. Kemudian dilakukan docking molekuler menggunakan perangkat lunak Molegro Virtual Docker. Kemudian dilakukan prediksi ADME menggunakan webserver SwisADME.

Hasil docking molekuler senyawa yang punya afinitas dan memiliki pola interaksi yang terbaik dengan kemiripan yaitu ligan asli terhadap protein target antidiabetes yaitu solanoflavon pada target protein 6B1E dan 2PRG, Delphinidin 3-rutinoside-5-glucoside pada target protein 3L4W, dan Solamargine pada target protein 2HV5.

Kata kunci : Antidiabetes, terong ungu, Solanum Melongena,  $\alpha$ -Glucosidase, Molegro Virtual Docker.